

# ПОЛІМОРФІЗМ ГЕНУ IL-10 (-592C/A) У ВІЛ-ІНФІКОВАНИХ ОСІБ

Піддубна А. І.

Науковий керівник – д-р мед. наук, проф. Чемич М. Д.

Сумський державний університет

Кафедра інфекційних хвороб з епідеміологією

**Мета дослідження:** вивчити характер розподілу алельних варіантів промотерної ділянки гену IL-10 у позиції -592 у ВІЛ-інфікованих українців.

**Матеріали та методи.** Матеріалом для дослідження стали зразки ДНК, отримані з лейкоцитів периферичної крові 200 мешканців Північно-Східного регіону України: 78 ВІЛ-інфікованих, 22 ВІЛ-негативних особи з групи високого ризику зараження, 100 здорових донорів крові. Детекцію поліморфізму гену IL-10 проводили методом ПЛР з наступним аналізом довжини рестрикційних фрагментів.

**Результати.** Вперше досліджено поліморфізм гену IL-10 (-592C/A) у популяції ВІЛ-інфікованих українців. При аналізі частот алельних варіантів гену цитокіну визначено, що домінуючим варіантом були гомозиготи за основним алелем (генотип C/C), який зустрічався у 58,9 % (42 особи) ВІЛ-інфікованих, у 64,0 % (64) донорів крові та 72,7 % (17) ВІЛ-негативних представників з групи високого ризику зараження. Зафіксовано достовірно підвищена частота носіїв основного алелю серед осіб з груп високого ризику інфікування, що може вказувати на протекторний вплив генотипу C/C щодо інфікування ВІЛ.

Встановлено, що серед осіб з ВІЛ, носії мінорного алелю A/A зустрічалися у 3,4 разу частіше у порівнянні з контрольною групою ( $p < 0,05$ ), склавши 10,3 % (8 осіб). Особи, які мають генотип A/A, у групі високого ризику зараження вірусом не виявлені. Вищезазначене свідчить про тенденцію до асоціації носійства мінорного алелю з інфікуванням ВІЛ у порівнянні з носіями інших варіантів генотипу за цим поліморфізмом.

**Висновки.** Розподіл алельних варіантів промотерного регіону гену IL-10 у позиції -592 серед українців характеризується домінуванням гомозиготного C/C варіанту, що відповідає даним у інших європеїдних популяціях. Відмічено певні відмінності у частоті генотипів серед ВІЛ-інфікованих осіб, які обумовлені підвищеним вмістом носіїв мінорного A/A генотипу.